



Fig. 1

-496 ACCATAGTCA TCCATATTGA TATTTTATAT CATCTCACT TCTCTTGGCC ARACTTGACC TACTGTTCGA ATTATTTTAC ATTCTCTTGG CTCTGTTTC
-396 ATTTATATTT AATTCCAGAA ACCACATCAA GTCTTTCAG AATGAAGTAG AGCAATTAAGA AGTAGAGATG TACACAGCA TCTCTAAAT CAGCCATGCC
-296 TAGGCAAGC AGCTTGCACT TAAACACCCA ATACATTTTT CATGATTGTG TTGAAGTGAA GTAACTTAAC CCGTTTTTAT ATCCTTCAAA ATAAGGTGGA
-196 TAGGAATGCT TTCAGCCCTT TTCAATAGCT TTGATTATCT TGTTTTTGTT AGATCCCTCC TCTTGGTTTG ATCATAGTAG TTACTGTATT TCTTTTATA
-96 AGCTGGTCTG CAAAGGGTAG GGCTTCAGA CCATTCGAAA GTTGTGACCG CTGTGAGTCA TATTCTGAA GGTGGAATC TGAAGCCAGA CTATCTATGT
+5 GAAGGCACAA GCTGCTGTTA TATACACAG AGTGAAGTGA GCATCAGTCA GAAAGAGTCT ATGTTTTCAG AAATACAGAT CCAAGACAAA GACAGG ATG
+104 GGC ACT GCT GGA AAA GTAAGTGAACATTT Intron 1 (5.6 kb) TTGCTATTTCTTAG GTT ATT AAA TGC AAA GCA GCT GTG
G T A G K ** ** V I K C K A A V
1 10
CTT TGG GAG CAG AAG CAA CCC TTC TCC ATT GAG GAA ATA GAA GTT GCC CCA CCA AAG ACT AAA GAA GTT CGC ATT AAG GTA
L W E Q K Q P F S I E E I E V A P P K T K E V R I K **
20 30
AGCGTGAGCCCT Intron 2 (1.0 kb) TGTCTTGAACACAG ATT TTG GCC ACA GGA ATC TGT CGC ACA GAT GAC CAT GTG ATA
** I L A T G I C R T D D H V I
40 50
AAA GGA ACA ATG GTG TCC AAG TTT CCA GTG ATT GTG GGA CAT GAG GCA ACT GGG ATT GTA GAG AGC ATT GGA GAA GGA GTG
K G T M V S K F P V I V G H E A T G I V E S I G E G V
60 70 80
ACT ACA GTG AAA CCA G GTATATGCAGGTGTC Intron 3 (0.3 kb) ATTTTTCCTGTAG GT GAC AAA GTG ATC CCT CTC TTT
T T V K P ** ** G D K V I P L F
90
CTG CCA CAA TGT AGA GAA TGC AAT GCT TGT CGC AAC CCA GAT GGC AAC CTT TGC ATT AGG AGC GA GTAGTTTCAGTCAT
L P Q C R E C N A C R N P D G N L C I R S D **
100 110
Intron 4 (0.1 kb) TGAATATCAACAG T ATT ACT GGT CGT GGA GTA CTG GCT GAT GGC ACC ACC AGA TTT ACA TGC AAG GGC
** I T G R G V L A D G T T R F T C K G
117 119 120 130
AAA CCA GTG CAC CAC TTC ATG AAC ACC AGT ACA TTT ACC GAG TAC ACA GTG GTG GAT GAA TCT TCT GTT GCT AAG ATT GAT
K P V H H F M N T S T F T E Y T V V D E S S V A K I D
140 150 160
GAT GCA CCT CCT GAG AAA GTG TGT TTA ATT GGC TGT GGC TTT TCC ACT GGA TAT GGC GCT GCT GTT AAA ACT GGC AAG
D A A P P E K V C L I G C G F S T G Y G A A V K T G K
170 180
GTAAGAACAGGTA Intron 5 (7.1 kb) CATCTCTCTCCACAG GTC AAA CCT GGT TCC ACT TGC GTC GTC TTT GGC CTG GGA
** V K P G S T C V V F G L G
190 200
GGA GTT GGC CTG TCA GTC ATC ATG GGC TGT AAG TCA GCT GGT GCA TCT AGG ATC ATT GGG ATT GAC CTC AAC AAA GAC AAA
G V G L S V I H G C K S A G A S R I I G I D L N K D K
210 220
TTT GAG AAG GGC ATG GCT GTA GGT GGC ACT GAG TGT ATC AGT CCC AAG GAC TCT ACC AAA CCC ATC AGT GAG GTG CTG TCA
F E K A M A V G A T E C I S P K D S T K P I S E V L S
230 240 250
GAA ATG ACA GGC AAC AAC GTG GGA TAC ACC TTT GAA GTT ATT GGG CAT CTT GAA ACC ATG GTAAGACCCCAAAAT Intron 6
E M T G N N V G Y T F E V I G H L E T H **
260 270
(1.4 kb) CCGTTTAAACTCAG ATT GAT GGC CTG GCA TCC TGC CAC ATG AAC TAT GGG ACC AGC GTG GTT GTA GGA GTT CCT
** I D A L A S C H M N Y G T S V V V G V P
280 290
CCA TCA GCC AAG ATG CTC ACC TAT GAC CCG ATG TTG CTC TTC ACT GGA CCG ACA TGG AAG GGA TGT GTC TTT GGA G GTCAG
P S A K M L T Y D P M L L F T G R T W K C C V F G **
300 310 320
GAAAGCAAAG Intron 7 (3.2 kb) TTGCTTATTTCAG GT TTG AAA AGC AGA GAT GAT GTC CCA AAA CTA GTG ACT GAG TTC
** G L K S R D D V P K L V T E F
330
CTG GCA AAG AAA TTT CAC CTG GAC CAG TTG ATA ACT CAT GTT TTA CCA TTT AAA AAA ATC AGT GAA GGA TTT GAG CTG CTC
L A K K F D L D Q L I T H V L P F K K I S E G F E L L
340 350 360
AAT TCA GGA CAA AG GTAAGTGTCTTAT Intron 8 (2.3 kb) CATTTTACATTTTCTAG C ATT CCA ACC GTC CTC ACC TTT TGA
N S G Q S ** ** I R T V L T F D
370 374
GATCCAAAGT GGCAGGAGGT CTGTGTTGTC ATGGTGAAGT GGAGTTTCTC TTGTGAGAGT TCCC